

РАСПРОСТРАНЕННОСТЬ ГЕНОВ ФАКТОРОВ ВИРУЛЕНТНОСТИ У ШТАММОВ *Y ENTEROCOLITICA*, ВЫДЕЛЕННЫХ НА ТЕРРИТОРИИ БЫВШЕГО СССР

Подколзин А.Т., Коновалова Т.А., Саргсян С.С., Хорошилова Т.В.,
Костенко Е.М., Ющенко Г.В.

ФГУН «Центральный НИИ эпидемиологии» Роспотребнадзора, Москва,
Россия

Обязательным критерием интерпретации результатов бактериологического исследования на кишечный иерсиниоз является оценка вирулентных свойств выделенных изолятов *Y enterocolitica*. По этой причине во многих диагностических тестах на основе ПЦР проводится детекция генов, кодирующих ключевые факторы вирулентности, благодаря которым реализуется механизм патогенеза кишечного иерсиниоза. В современной литературе в качестве подобных генов-мишней наиболее часто используются ген инвазина (*inv*), энтеротоксина (*Yst*), локуса прикрепления и инвазии (*attachment invasion locus – ail*) и плазмидному гену адгезина (*plasmid pYV adhesin – yadA*). Однако в настоящее время отсутствует единое мнение по интерпретации значимости выявления того или иного гена-мишени. В этой связи было проведено изучение распространенности генов *yst*, *ail* и *yadA* у изолятов *Y enterocolitica*, выделенных из образцов фекалий пациентов с ОКИ и объектов окружающей среды в 1970–1990 годы на территории бывшего СССР.

Материалы и методы:

Проводилось исследование ДНК, выделенной из 300 изолятов *Y enterocolitica* (218 изолятов из объектов окружающей среды и 82 от пациентов с симптоматикой острой кишечной инфекции) с применением комплекта реагентов «АмплиСенс® *Yersinia enterocolitica / pseudotuberculosis*-FL», включающим тест для детекции комплекса вирулентных и авивирулентных *Yersinia enterocolitica* (детекция по рибосомальным генам) / *Y pseudotuberculosis* и выявление генов *yst*, *ail* и *yadA* у изолятов *Y enterocolitica*.

Результаты:

Все коллекционные штаммы *Y enterocolitica* были выявлены с применением теста на гены rRNA. Частота выявления генов, кодирующих различные факторы вирулентности представлена в таблице №1.

Таблица №1. Частота выявления генов, кодирующих различные факторы вирулентности и их комбинаций, у коллекционных изолятов Y enterocolitica.

ail	yst	yadA	Внешняя среда (n=218)	Человек (n=82)
+	+	+	9 (4,1%)	12(14,6%)
+	+	-	24(11,0%)	23(28,0%)
-	+	-	11(5,0%)	5(6,1%)
-	+	+	1(0,5%)	0(0,0%)
-	-	-	173(79,4%)	42(51,2%)

Обсуждение: Факт выделения изолята из окружающей среды не может свидетельствовать об отсутствии у него потенциальных факторов вирулентности. Выявление изолята из клинического материала хоть и свидетельствует о его способности к эффективной колонизации ЖКТ, однако также не может являться доказательством наличия у него вирулентных свойств. Однако достоверное различие по более высокой частоте выявления в материале от пациентов комбинации всех трех детектируемых генов ($p=0,003$, Fisher's Exact Test) либо комбинации *ail* и *yst* ($p=0,0005$, Fisher's Exact Test) может косвенно свидетельствовать о их значимости в формировании манифестных форм кишечного иерсиниоза.

ПЕРСПЕКТИВЫ ПРИМЕНЕНИЯ МЕТОДОВ АМПЛИФИКАЦИИ НУКЛЕИНОВЫХ КИСЛОТ В НАДЗОРЕ ЗА ПОЛИОВИРУСНОЙ ИНФЕКЦИЕЙ

Подколзин А.Т., Шипулин Г.А., Малеев В.В.

ФГУН «ЦНИИ эпидемиологии» Роспотребнадзора

Методы амплификации нуклеиновых кислот (МАНК) уже давно нашли широкое применение в надзоре за энтеровирусной инфекцией, вызванной неполиомиелитными энтеровирусами. Основой надзора за полiovirusами традиционно являлись вирусологические методы в комплексе с применением реакции нейтрализации и ИФА для внутритиповой дифференцировки полiovirusов (ITD). С 2004 года МАНК были рекомендованы ВОЗ как тест для ITD (WHO Polio Laboratory Manual 4th Edotoin 2004). С 2008 года ВОЗ рекомендовала для решения данной задачи применение МАНК в формате RealTime PCR. Опыт применения RealTime PCR для ITD в 2008-2009 годах показал 30% повышение эффективности ITD для штаммов полiovirusов вакцинного происхождения (VDPV) и позволило, в соответствии со